



E-Rare

10th Joint Call for European Research Projects on Rare Diseases

Pre-anuncio

Objetivo: la convocatoria tiene por objetivo capacitar a investigadores de diferentes países para que establezcan una colaboración eficaz en un proyecto común de investigación interdisciplinaria en el área de enfermedades raras que esté basado en la complementariedad y el intercambio de conocimientos especializados, con un enfoque claro de investigación traslacional.

Los proyectos incluirán un grupo de enfermedades raras o una sola enfermedad rara según la definición europea, es decir, una enfermedad que afecte a no más de cinco de cada 10 000 personas en la Comunidad Europea, Estados Asociados a la CE y Canadá.

Las propuestas de investigación transnacional deben cubrir al menos una de las siguientes áreas, que son iguales en importancia para esta convocatoria:

- Combined multi-omics approaches (e.g. epigenomics, transcriptomics, metabolomics, proteomics, etc.) that complement genomics-based gene discovery strategies and that are driven by a lead hypothesis. These multi-omics approaches should extend beyond descriptive “-omics” data gathering, such as simple whole exome/genome sequencing for disease gene discovery. For transcriptomic and proteomic data, a strong rationale for physiological relevance of the collected sample/tissue/dataset must be available
- Functional validation of clinical or biological inferences obtained from “-omics” results, e.g. by:
 - developing new computational, statistical and experimental methods for analysis and interpretation of existing multi-omic datasets or for the identification of relevant biomarkers;
 - integrating the already obtained “-omics” results to generate and test new biological models;
- Application of “-omics” approaches to rare diseases for which the gene(s) is/are known to enable insight into disease pathophysiology. Emphasis will be given to approaches that transcend a single “-omics” approach to illuminate pathomechanism. Projects that generate “-omics” data with limited integration and interpretation will be considered lower priority;
- Development and application of concepts and methods for pathogenic read-outs of disease groups which can be used as “blue print” to discover new disease genes and inform pathomechanism. Projects on “simple” or “pure” gene hunts will be discouraged if they can be rationally performed at a single institution or by existing international resource centers, with the exception of studies that inform fundamentally new genetic paradigms.

Requisitos de los participantes: las propuestas de investigación conjunta podrán ser presentadas por equipos de investigación que trabajan en universidades, otras instituciones de educación superior o institutos de investigación; equipos de investigación que trabajan en hospitales / centros de salud pública y / u otros centros de salud y organizaciones de salud; y por empresas.

Cada consorcio que presente una propuesta deberá incluir un mínimo de tres y un máximo de seis socios elegibles de al menos tres países diferentes que participen en la convocatoria

Duración máxima proyectos: 36 meses

Plazos de la convocatoria:

Publicación de la convocatoria: 7 de diciembre de 2017

Presentación de las pre-propuestas: febrero de 2018 (fecha estimada)

Presentación de la propuesta completa: junio de 2018 (fecha estimada)

Más información:

[Pre-anuncio](#)